

# 一次世代シーケンス解析セミナーのご案内

## 次世代シーケンサーで解明するゲノム

次世代DNAシーケンサーは1回のランで数ギガ塩基以上という膨大な量の配列情報を、従来の数十分の1のコストで得ることができる。これは従来のキャピラリーシーケンス法と比較して

実に1000倍以上ものデータ量で、これまでゲノムセンター1施設で産出していた情報量がたった1台の装置で生産できる。その結果、1000ドルゲノムやメタゲノムプロジェクトといった新しい研究の流れが登場し、ゲノム配列決定やSNP探索以外にも、ゲノム染色体異常(逆位や転座)、遺伝子発現解析、small RNA解析などのアプリケーションへの応用が広まり、またChIP-Seqなど新しいメソッドが確立された。

本セミナーでは、次世代DNAシーケンサーの基本原則から膨大なデータを解析する応用テクニックに至る実践的な内容を紹介する。

### 解析原理説明・ビデオ映像紹介

- ・FLXとGA II xの解析原理・特徴についての説明
- ・各種アプリケーション(次世代シーケンスで何が出来るのか)
- ・FLX, GA II x稼働時の実作業状況をビデオ映像にて紹介

### データ解析概要説明・質疑応答

- ・膨大な出力データの取り扱い
- ・使用するソフトウェア
- ・解析データの視覚化
- ・解析事例(SNP解析)

【お問い合わせ先】

 北海道システム・サイエンス株式会社

〒001-0932 札幌市北区新川西2条1丁目2-1 E-mail:seq@hssnet.co.jp

TEL:011-768-5901 FAX:011-768-5951 URL:http://www.hssnet.co.jp