

# 次世代シーケンス データ解析セミナー

個別化医療に向けたゲノムデータ解析サービスのご紹介

日時:2013年9月18日(水)13:30~14:30

場所:長崎大学 遺伝子実験施設 2F セミナー室

講師:アメリエフ株式会社 山口 昌雄 様

1000人ゲノムプロジェクトを始めとした、世界的なバイオバンクプロジェクトと拡大により、健常者だけでなく多くの罹患者のゲノム情報が収集されています。超高速DNAシーケンサーの登場もあり、ゲノム情報を用いた個別化医療の発展が目覚ましい昨今、その進展における最大の障害の一つが膨大なデータの解析です。

ゲノムデータの解析を統合的に支援することで、微力ながら研究の発展に貢献できれば幸いです。

各、次世代シーケンサーのデータについて受託依頼が可能ですので、ご興味のある方は是非この機会に御参加下さい。

## ①超高速シーケンサーの現状

## ②国際的なバイオバンクプロジェクト

## ③日本国内のバイオバンクプロジェクト

## ④超高速シーケンスデータの解析

- ・どんな解析ができるのか
- ・データ解析の実際

## ⑤その他・質疑応答



連絡先:長崎大学 先端生命科学研究支援センター 遺伝子実験施設  
受付内線:7191 Mail: [grc@ml.nagasaki-u.ac.jp](mailto:grc@ml.nagasaki-u.ac.jp)

協賛:(株)医学生物学研究所 田村 泰紘  
(株)テクノ・スズタ 上川 晋一