

Agilentのゲノクスソリューション

-さまざまな遺伝子解析技術—どう使いこなすか—

最近では、さまざまな遺伝子発現解析技術やゲノム解析技術が生み出され、それぞれにユニークなデータが得られる時代になりました。今回のセミナーでは、さまざまな研究シーンでどのような解析技術が最適なのかというビジョンから、特にNGSとマイクロアレイによる遺伝子発現解析、バリデーションで利用される定量PCR法、ゲノム解析技術などのトピックスをご紹介します。

日時：平成26年7月2日（水） 13:00 – 16:00

場所：長崎大学 先端生命科学研究支援センター

ゲノム機能解析分野 遺伝子実験施設 2Fセミナー室

プログラム

1. 13:00 – 13:40 さまざまな遺伝子発現解析に最適な技術のチョイス
アジレントテクノロジー社 アプリケーションエンジニア 津本 裕子
2. 13:40 – 14:20 次世代シーケンス – データ解析方法とデータ解釈方法のご紹介
アジレントテクノロジー社 アプリケーションエンジニア 石井 善幸
- 14:20 – 14:30 休憩
3. 14:30 – 15:10 定量PCRで得られた結果の解釈
– パブリッシュまでのプロセス (MIQEガイドライン)
アジレントテクノロジー社 アプリケーションエンジニア 吉田 悟
4. 15:10 – 16:00 ゲノム・エピゲノム解析技術のトピックス
アジレントテクノロジー社 アプリケーショングループ 田谷 敏貴

サポートアワー：Mx3000P/Mx3005P、バイオアナライザー、マイクロアレイ解析ソフトGeneSpringのユーザー様サポートの時間です。利用法や解析方法についてのご質問を承ります。どうぞこの時間をご利用くださいませうお願いいたします。

お問い合わせ：

アジレントテクノロジー株式会社 担当 尾崎・吉田 0120-477-111 email: masakazu_ozaki@agilent.com

