

MiSeqの基礎を一から解説

## 次世代シーケンスセミナー

次世代シーケンス(NGS)の導入により、圧倒的なリード数(配列の数)で配列解析が可能になり、さまざまなアプリケーションが低コストで可能になってきております。ランのセットアップも簡単なデスクトップ型のイルミナMiSeqを使用して、がんを含めた臨床系のパネル製品、バクテリアを含めた小さいゲノムサイズの生物の全ゲノム解析、菌そう解析、二細胞間の遺伝子発現量比較(RNA-Seq), CHIP-Seqなどにご興味はございませんか？

特に今さら聞けないNGSの原理について重点的に解説し、コストを含めたアプリケーションの紹介に関するセミナーを実施させていただきます。

運用のご予定がございます場合にはセミナーの後に個別相談もお受けしますので、ぜひご参加ください。

日時: 12月7日(水)午後4時~5時

(その後、個別相談の時間を設けます)

場所: 遺伝子実験施設 2階セミナー室

講師: イルミナ株式会社フィールドアプリケーションサイエンティスト  
小林孝史



臓器内のバクテリア分布を把握したい  
(菌そう解析)

特定の領域の変異を把握したい  
(ターゲットリシーケンス)

CHIP-SeqあるいはRNA-Seqなど

お問い合わせ先:

木住野達也 (遺伝子実験施設 内線7190)

増本博司 (共同利用研究センター 内線7089)

イルミナ小林、嘉美 [tkobayashi@illumina.com](mailto:tkobayashi@illumina.com), [nkami@illumina.com](mailto:nkami@illumina.com)