

# ゲノム修復学研究分野

## 論文

### A 欧文

#### A-a

1. Tsuda M, Cho K, Ooka M, Shimizu N, Watanabe R, Yasui A, Nakazawa Y, Ogi T, Harada H, Agama K, Nakamura J, Asada R, Fujiike H, Sakuma T, Yamamoto T, Murai J, Hiraoka M, Koike K, Pommier Y, Takeda S, Hirota K: ALC1/CHD1L, a chromatin-remodeling enzyme, is required for efficient base excision repair. PLoS One 12 (11): e0188320, 2017 (IF: 2.806) \*
2. Okuda M, Nakazawa Y, Guo C, Ogi T, Nishimura Y: Common TFIIH recruitment mechanism in global genome and transcription-coupled repair subpathways. Nucleic Acids Res 45 (22): 13043-13055, 2017 (IF: 10.162) \*◇
3. Doi R, Tsuchiya T, Mitsutake N, Nishimura S, Matsuu-Matsuyama M, Nakazawa Y, Ogi T, Akita S, Yukawa H, Baba Y, Yamasaki N, Matsumoto K, Miyazaki T, Kamohara R, Hatachi G, Sengyoku H, Watanabe H, Obata T, Niklason LE, Nagayasu T: Transplantation of bioengineered rat lungs recellularized with endothelial and adipose-derived stromal cells. Sci Rep 7(1): 8447, 2017 (IF: 4.259) \*◇
4. Daigaku Y, Etheridge TJ, Nakazawa Y, Nakayama M, Watson AT, Miyabe I, Ogi T, Osborne MA, Carr AM: PCNA ubiquitylation ensures timely completion of unperturbed DNA replication in fission yeast. PLoS Genet 13(5): e1006789, 2017 (IF: 6.100) \*◇

### 研究業績集計表

教室等名：ゲノム機能解析部門 ゲノム修復学研究分野（原研修復）

#### 論文数一覧

	A-a	A-b	A-c	A-d	A-e	合計	SCI	B-a	B-b	B-c	B-d	B-e	合計	総計
2017	4	0	0	0	0	4	4	0	0	0	0	0	0	4

#### 学会発表数一覧

	A-a	A-b		合計		B-a	B-b		合計	総計
		シンポジウム	学会				シンポジウム	学会		
2017	0	0	0	0		0	0	3	3	3

#### 論文総数に係る教員生産係数一覧

	欧文論文総数 論文総数	教員生産係数 (欧文論文)		SCI掲載論文数 欧文論文総数	教員生産係数 (SCI掲載論文)
2017	1	4		1	4

#### Impact factor 値一覧

	Impact factor	教員当たり Impact factor	論文当たり Impact factor
2017	23.327	23.327	5.832